



## Programación – Certamen 3 – Semestre 2, 2017

2. [40%] Los tomodatchi son mascotas virtuales que deben ser alimentadas constantemente o sino pueden morir. Como ejemplo, suponga que tiene la siguiente colección de tomodatchis en un archivo llamado `tomodatchi.txt` y los alimentos que pueden comer en el archivo `comidas.txt`. Notar que los dos números contiguos a un tomodatchi o alimento corresponden a la felicidad y satisfacción respectivamente:

`tomodatchi.txt`

```
pedrotchi;5;5
javiertchi;0;3
nicolatchi;3;0
cristophertchi;4;4
viktortchi;2;1
...
```

`comidas.txt`

```
sopaipa;1;2
tocomple;2;1
susushi;1;1
supapajohns;3;3
sumaruchan;1;0
...
```

**Nota:** Los archivos de ejemplo tienen más líneas.

a.- Desarrolle la función `status(tomo, arch)`, donde `tomo` es un string con el nombre del tomodatchi y `arch` un string con el nombre del archivo de tomodatchis. La función retorna un diccionario con la felicidad y satisfacción de dicho tomodatchi. Si la felicidad o la satisfacción es cero, entonces retorna `False` (tomodatchi muerto). Asuma que el tomodatchi siempre existirá en el archivo. Guíese por el ejemplo.

```
>>status('pedrotchi','tomodatchi.txt')
{'feliz': 5, 'satisfecho': 5}
>>status('javiertchi','tomodatchi.txt')
False
```

b.- Desarrolle la función `alimento(ali, arch)` donde `ali` es un string con el nombre del alimento y `arch` un string con el nombre del archivo de alimentos. La función retorna un diccionario con la felicidad y satisfacción que tiene dicho alimento. Si no lo encuentra retorna `False`. Guíese por el ejemplo.

```
>>alimento('tocomple','comidas.txt')
{'feliz': 2, 'satisfecho': 1}
>>alimento('salchipapa','comidas.txt')
False
```

c.- Desarrolle la función `alimentar(tomo, ali, arch1, arch2)`, donde `tomo` es el nombre del tomodatchi, `ali` es el nombre del alimento, `arch1` es el nombre del archivo con los tomodatchis y `arch2` el nombre del archivo con los alimentos. En el caso de que el tomodatchi esté vivo y que el alimento exista, la función retorna un diccionario con los datos actualizados (sumándole la cantidad de satisfacción y felicidad correspondiente al alimento). Si el tomodatchi está muerto, la función retorna un string `'X.X'`, exista o no el alimento. Finalmente, si el tomodatchi está vivo y el alimento no existe, la función retorna un string `'no existe alimento'`. Asuma que el tomodatchi siempre existirá en el archivo. Guíese por el ejemplo:

```
>>alimentar('pedrotchi','tocomple','tomodatchi.txt','comidas.txt')
{'feliz': 7, 'satisfecho': 6}
>>alimentar('javiertchi','tocomple','tomodatchi.txt','comidas.txt')
X.X
>>alimentar('viktortchi','salchipapa','tomodatchi.txt','comidas.txt')
no existe alimento
```

## Programación – Certamen 3 – Semestre 2, 2017

3. [40 %] PyLab es un laboratorio que está desarrollando vacunas para 2 tipos de enfermedades. Cada mes algunos pacientes son inyectados con vacunas experimentales y se mide la presencia de 3 sustancias en su cuerpo: BR1, BR2 y KR.

En un archivo (`datos.txt`) se guardan los resultados tras probar una nueva vacuna. La información de un paciente estará en una línea del tipo: `CP;G;BR1;BR2;KR`, donde `CP` es el código del paciente, `G` es el género del paciente (1: femenino, 0: masculino) y `BR1`, `BR2` y `KR` son las 3 sustancias que, cuando están presentes, tienen un 1 y sino un 0. Por ejemplo la paciente `JP87` solo presenta la sustancia `KR`. Notar que entre dos pacientes siempre hay una línea en blanco.

La probabilidad de desarrollar la enfermedad 1 está dada por:

$$\text{Enfermedad-1} = 10 \cdot KR + 30 \cdot BR2 + 4$$

La probabilidad de desarrollar la enfermedad 2 depende del género y está dada por:

$$\text{Enfermedad-2} = \begin{cases} 15 \cdot BR1 + 65 \cdot BR2 + 3 & \text{si } G == 1, \\ 5 \cdot BR1 + 8 \cdot BR2 + 6 & \text{si } G == 0. \end{cases}$$

Por otro lado se cuenta con el archivo histórico de pacientes en el formato `CP; PE1; PE2`, donde `CP` es el código del paciente, `PE1` es la probabilidad de desarrollar la enfermedad 1 y `PE2` la enfermedad 2. Notar que después de cada `;` existe un espacio en blanco en el archivo histórico.

Escriba la función `actualizar(ad, ah, ah2)`, donde `ad` es el nombre de un archivo de datos tras probar una nueva vacuna (como `datos.txt`), `ah` es el nombre de un archivo de tipo histórico (como `historico.txt`) y `ah2` es el nombre del **nuevo** archivo donde se escribirá la información actualizada considerando los dos archivos anteriormente descritos (el de datos y el histórico).

`historico.txt`

```
JP87; 4%; 3%
KL898989; 4%; 14%
AY0231; 4%; 6%
DR762399; 34%; 11%
ED235; 14%; 3%
W4350; 14%; 68%
...
```

`historico2.txt`

```
JP87; 14%; 3%
KL898989; 4%; 14%
AY0231; 34%; 19%
DR762399; 4%; 6%
ED235; 14%; 3%
W4350; 44%; 68%
...
```

Por ejemplo al ejecutar `actualizar('datos.txt', 'historico.txt', 'historico2.txt')`, se generará el archivo `historico2.txt` como se ve en el ejemplo anterior.

El archivo `ah2` será un **nuevo** archivo histórico en donde, si el paciente existía y se probó la vacuna en él, se reemplazan las probabilidades de las enfermedades según el archivo de datos (`ad`). Si el paciente no existía, lo agrega en cualquier lugar y finalmente si el paciente existía, pero no se probó la vacuna sobre él, es decir, el paciente no está en el archivo `ad`, lo copia directo en el archivo `ah2`. Guíese por el ejemplo.

**Nota:** Los archivos de ejemplo tienen más líneas. Recuerde que puede crear todas las funciones auxiliares que estime conveniente.

`datos.txt`

```
JP87;1;0;0;1
AY0231;0;1;1;0
DR762399;0;0;0;0
ED235;1;0;0;1
W4350;1;0;1;1
...
```



